


姓名	李志刚	性别	男	
最高学位	博士			
职称	副教授	职务	教师	
毕业院校	中国农业大学			
所属单位	海南大学热带农林学院			
从事专业	计算生物学，植物病理学			
电话	-	E-mail	zhigangli@hainanu.edu.cn	
个人简历	<p>于 2009 年毕业于中国农业大学（生物学院），获得理学学士学位；2015 年毕业于中国农业大学（农学与生物技术学院），获得博士学位（导师：彭友良教授；合作导师：张子丁教授）。2020 年入职海南大学，从事“重要真菌病害基因组大数据与生物安全”相关研究，主要围绕橡胶树“两病”（白粉病和炭疽病）、稻瘟病等热区重要真菌病害，从基因组适应性进化、病原菌/寄主互作、病源检测、生物安全评估、大数据模型构建与算法开发等角度开展研究工作。</p>			
研究方向	基因组大数据与生物安全			
研究课题	<p>国家自然科学基金（青年）项目，32001844，基于机器学习和时序网络研究橡胶树白粉菌寄生特性相关调控进化机制，在研，主持</p> <p>海南省自然科学基金青年基金项目，320QN197，利用机器学习对橡胶树白粉菌寄生特性进行多组学挖掘，在研，主持</p> <p>海南省自然科学基金高层次人才项目，323RC420，橡胶树白粉菌长链非编码 RNA 在侵染过程中调控作用研究，在研，主持</p> <p>海南大学高层次人才引进科研启动基金项目，KYQD(ZR)20031，橡胶树白粉菌转录调控机制研究，在研，主持</p> <p>国家自然科学基金面上项目，31271414，植物免疫基因功能网络的构建与动态分析，已结题，参与</p>			

发表论文查看: <https://www.researchgate.net/profile/Zhigang-Li-7>

ORCID: <https://orcid.org/my-orcid?orcid=0000-0001-8314-9430>

代表论文:

Li, Z.#, Yang, J.#, Ji, X., Liu, J., Yin, C., Bhadauria, V., Zhao, W., & Peng, Y. L.* (2024). First telomere-to-telomere gapless assembly of the rice blast fungus *Pyricularia oryzae*. *Scientific data*, 11(1), 380. [IF: 9.8]

Ji, X., Y. Tian, W. Liu, C. Lin, F. He, J. Yang, W. Miao and **Z. Li*** (2023). "Mitochondrial characteristics of the powdery mildew genus *Erysiphe* revealed an extraordinary evolution in protein-coding genes." *Int J Biol Macromol* 230: 123153.[中科院Top一区, IF:8.025]

Guan, X., M. Song, J. Lu, H. Yang, X. Li, W. Liu, Y. Zhang, W. Miao, **Z. Li*** and C. Lin* (2022). "The Transcription Factor CsAtf1 Negatively Regulates the Cytochrome P450 Gene CsCyp51G1 to Increase Fludioxonil Sensitivity in *Colletotrichum siamense*." *Journal of Fungi* 8(10). [IF:5.724]

Li, Z. and T. Liu* (2022). "The Highly Contiguous Genome Resource of *Trichoderma semiorbis* FJ059, a Biological Control Agent for Litchi Downy Blight." *Phytopathology*: PHYTO09210389A. [中科院Top期刊, IF:4.01]

Li, Z#, J. Yang#, J. Peng, Z. Cheng, X. Liu, Z. Zhang, V. Bhadauria, W. Zhao and Y. L. Peng* (2021). "Transcriptional Landscapes of Long Non-coding RNAs and Alternative Splicing in *Pyricularia oryzae* Revealed by RNA-Seq." *Front Plant Sci* 12: 723636. [中科院Top期刊, IF: 6.627]

Liu, C#., **Z. Li#**, J. Xing, J. Yang, Z. Wang, H. Zhang, D. Chen, Y. L. Peng, X. L. Chen* (2018). "Global analysis of sumoylation function reveals novel insights into development and appressorium-mediated infection of the rice blast fungus." *New Phytol* 219(3): 1031-1047. [IF: 7.29]

纪晓贝, 梁鹏, 刘文波, 李潇, 陈代朋, **李志刚***, **缪卫国*** (2021). "橡胶树白粉菌侵染过程转录组学分析." *植物保护学报* 48(06): 1479-1487. [农林领域高质量科技期刊分级目录T1等级]

研究成果

专利

《快速进行全基因组注释区间比较的方法及系统》, 公告号: CN 113362901 B, 第一发明人

	<p>《一种真核生物泛转录组注释方法》，申请号：202111671919.X，第一发明人</p> <p>《一种用于评估被白粉菌侵染的叶片中病原菌RNA比例的引物及方法》，公告号：CN 115125324 B，第一发明人</p> <p>软件著作权</p> <p>《可变剪接分析软件》，07373319，独立开发</p> <p>《可变剪接在线分析平台》，08323591，独立开发</p> <p>《多样品RNA-Seq混合拼接软件》，08323590，独立开发</p>
获得荣誉	<ol style="list-style-type: none"> 1. 海南自由贸易港 D 类人才 2. 三亚崖州湾科技城人才引进 E 类 3. 海南大学 2021 年度考核优秀
教学和研究生培养	<p>本科生课程：分子植病概况，生物信息学，高年级研讨课，</p> <p>研究生课程：植保生物信息学，高级植物病理学，植物病原生物学，现代植病研究技术</p>
社会兼职	<ol style="list-style-type: none"> 1. 受邀为 <i>Frontiers in Microbiology</i>, <i>Pharmacological Research</i>, <i>Physiologia Plantarum</i>, <i>PLoS One</i>, <i>Frontiers in Plant Science</i>, <i>International Journal of Molecular Sciences</i>, 《植物病理学报》，《生物信息》等期刊审稿。 2. 担任 <i>Journal of Fungi</i>, Guest Editor; <i>Frontiers in Plant Science</i> (Plant Bioinformatics), review editor。 3. “中国植物病理学会”、“中国植物保护学会”、“中国热带作物学会”、“海南省植物保护学会”会员
招生专业	<p>分子生物学，生物信息学，植物病理学，及其它生物学、计算机或数学相关。</p>

注：表格内容请勿出现超链接和自动排序等格式，否则上网会出现乱码。