

姓名	陈菲帆	性别	男	
毕业院校	西北农林科技大学	学位	博士研究生	
所属系	园艺系	职务	无	
专业技术职务	副教授	导师类别	硕士/博士生导师	
从事专业	园艺作物分子遗传育种			
电子邮箱	feifan.chen@hainanu.edu.cn fchen1016@foxmail.com			
办公地址	海南省三亚市崖州区 海南大学三亚南繁研究院众创中心 504			
个人简介	男，湖北武汉人，博士，副教授，博士生导师。2023年6月到海南大学园艺学院工作，任《Theoretical and Applied Genetics》《Horticultural Plant Journal》《Molecular Breeding》《Hortscience》等SCI期刊审稿人。			
教育经历	2017.12 – 2019.12：Plant and Agroecosystem Sciences, University of Wisconsin-Madison, WI 53706, USA。联合培养博士。 2015.09 – 2019.12：西北农林科技大学，园艺学院，蔬菜系，农学博士。 2012.09 – 2015.06：西北农林科技大学，园艺学院，蔬菜系，农学硕士。 2008.09 – 2012.06：华中农业大学，植物科学技术学院，农学系，农学学士。			

工作经历	<p>2023.06 – 至今：海南大学热带农林学院，副教授。</p> <p>2019.12 – 2022.12：Department of Plant and Agroecosystem Sciences, University of Wisconsin-Madison, WI 53706, USA。博士后助理研究员，合作导师: Dr. Yiqun Weng。</p>
研究方向	<p>园艺作物特别是葫芦科瓜类种质资源创新利用与分子遗传育种。</p> <p>主要通过正向遗传学对果实形状/大小，株型调控和抗病抗逆等重要性状基因进行图位克隆，并通过转基因、基因/蛋白互作等技术解析其遗传调控与分子机理。开发相关分子标记，实现分子标记辅助选择育种。</p>
研究成果	<p>科研项目：</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. 国家自然科学基金委员会，青年科学基金项目 (C类)，32402567，黄瓜<i>sd-1</i>基因调控半矮生性状的功能验证及作用机制解析，202501~202712，30万元，主持，在研。 2. 海南省科学技术厅，海南省自然科学基金高层次人才项目，325RC666，黄瓜黄色果肉<i>yf</i>基因的克隆及调控机理解析，202501~202712，10万元，主持，在研。 3. 海南大学，海南大学高层次人才启动基金，XJ2400005243，苦瓜控制果瘤形成QTL的精细定位与功能解析，202306~202805，30万元，主持，在研。 <p>学术论文：</p> <p>Chen F, Liu J, Chen H, Yang Y, Li X, Ding Y, Tian L, Shang S (2025) High-density genetic mapping and QTL analysis for key horticultural traits in bitter gourd (<i>Momordica charantia</i> L.): Insights into plant architecture, fruit development, and wart characteristics. <i>Hortic Plant J</i></p>

<https://doi.org/10.1016/j.hpj.2025.03.007>. (SCI, IF=6.2, 中科院一区 top)

Chen F, Yong J, Zhang G, Liu M, Wang Q, Zhong H, Pan Y, Chen P, Weng Y, Li Y (2023) An LTR retrotransposon insertion inside *CsERECTA* for an LRR receptor-like serine/threonine-protein kinase results in *compact (cp)* plant architecture in cucumber. **Theor Appl Genet** 136:31. (SCI, IF=4.4, 中科院一区 top)

Chen F, Fu B, Pan Y, Wen H, Chen P, Weng Y, Li Y (2017) Fine mapping identifies *CsGCN5* encoding a histone acetyltransferase as putative candidate gene for *tendrill-less1* mutation (*td-1*) in cucumber. **Theor Appl Genet** 130:1549-1558. (SCI, IF=4.4, 中科院一区 top)

Rong F, **Chen F**, Huang L, Zhang J, Zhang C, Hou D, Cheng Z, Weng Y, Chen P, Li Y (2019) A mutation in class III homeodomain-leucine zipper (*HD-ZIP III*) transcription factor results in curly leaf (*cul*) in cucumber (*Cucumis sativus* L.). **Theor Appl Genet** 132:113-123. (SCI, IF=4.4, 中科院一区 top)

Zhang C, **Chen F**, Zhao Z, Hu L, Liu H, Cheng Z, Weng Y, Chen P, Li Y (2018) Mutations in *CsPID* encoding a Ser/Thr protein kinase are responsible for round leaf shape in cucumber (*Cucumis sativus* L.). **Theor Appl Genet** 131:1379-1389. (SCI, IF=4.4, 中科院一区 top)

国内/国际会议摘要&报告:

苦瓜尖齿瘤 *st* 基因的精细定位与克隆 (分会场报告)。中国园艺学会 2024 年分子育种分会

	<p>第五届学术年会，山西·太原。</p> <p>黄瓜 WI7120 抗霜霉病主效 QTL <i>dm4.1</i> 的遗传结构基础。中国园艺学会 2024 年特色瓜类分会成立大会暨第一届学术年会，广东·广州。</p> <p>Chen F, Wang Y, Keinath AP, Weng Y. 2022. Genetic Architecture of <i>dm4.1</i> Major-Effect QTL for <i>Downy mildew</i> Resistance in WI7120 (PI 330628) Cucumber. Naples, FL 34103, U.S.A. <i>Cucurbitaceae 2022</i>, pp 19-19 (Keynote speaker)</p> <p>Chen F, Meng H, Cheng Z, Li Y. 2014. Proteomic Analysis of Cucumber Secretome During Cucumber-Downy Mildew Interactions. Bay Harbor, MI 49770, U.S.A. <i>Proc Cucurbitaceae 2014</i>, pp 158-160</p>
<p>教学和研究生培养</p>	<p>主讲本科生课程《植物生物技术导论》《无土栽培》《设施作物栽培学总论》《园艺植物栽培学（蔬菜学各论）》《园艺试验设计与统计分析》等。</p> <p>先后培养研究生 1 名。</p>
<p>招生专业</p>	<p>园艺学学术型硕士、农艺与种业专业硕士（园艺方向）；作物学博士</p>